

**Анализ контрольного региона мтДНК косатки (*Orcinus orca*) из Белого моря**

**Научный руководитель – Джикия Екатерина Левановна**

**Цидулко Аглая Григорьевна**

*Студент (бакалавр)*

Московский государственный университет имени М.В.Ломоносова, Биологический факультет, Москва, Россия  
*E-mail: aglayats@gmail.com*

На сегодняшний день отмечены единичные заходы косаток в Белое море. Впервые удалось получить образцы от погибшей косатки, взрослой самки (рис.1.), обнаруженной на юге Большого Соловецкого острова в начале июня 2021 года. Мы амплифицировали и секвенировали контрольный регион мтДНК, сравнили полученный гаплотип с гаплотипами косаток, представленных в NCBI. Гаплотип косатки из Белого моря (WhiteSeaOrca) не представлен в Генбанке. Построенная медианная сеть гаплотипов, включающая гаплотипы атлантических (ENAC1, ENAUK3, ENAI3, WSAPN, Atl\_u\_36, Atl\_u\_37), тихоокеанских (ENPT3, ENPT4, GAT, GAT2, SR) и беломорской косаток, объединяет беломорскую и атлантических косаток в один кластер (рис.2). Ближе всего беломорская косатка к гаплотипу ENAI3 (рис.3.), известному из вод Исландии.

Работа выполнена в соавторстве с Е.Л. Джикия, Г.А. Цидулко и М.Ю. Коростелёвым.

**Иллюстрации**



**Рис. 1.** Труп косатки, использованный для взятия образца

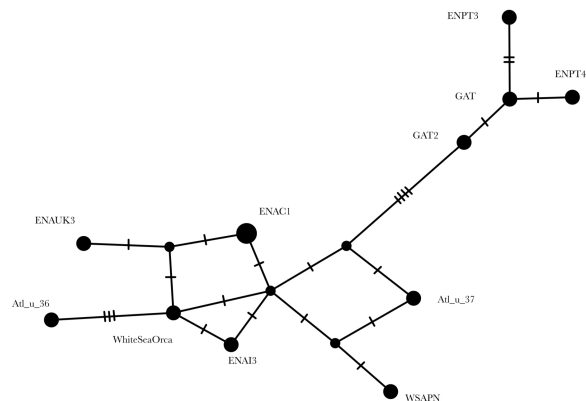


Рис. 2. Медианная сеть гаплотипов атлантических и тихоокеанских косаток

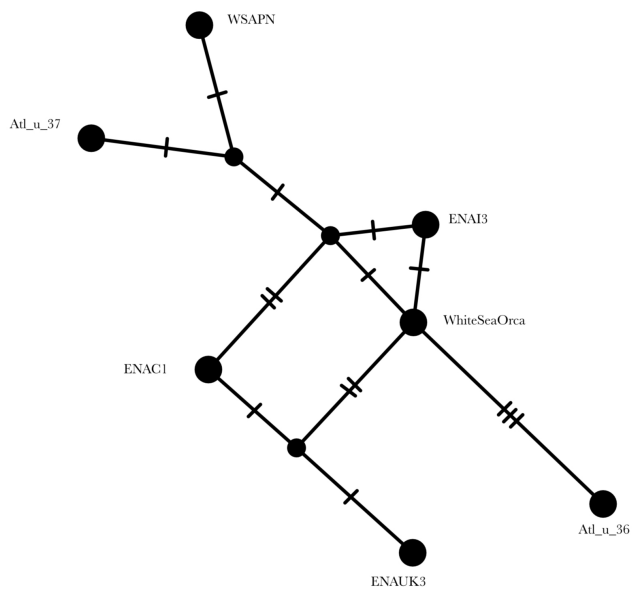


Рис. 3. Медианная сеть гаплотипов атлантических косаток